

## Soluciones NGS 360°

Transformamos muestras complejas  
en datos biológicos precisos  
con la tecnología de secuenciación más avanzada  
del mercado actual con precios competitivos

**¡VISITA NUESTRO STAND EN EL CONGRESO!**



Humanizing Genomics  
**macrogen**  
SPAIN

## ¿LISTO PARA EXPLORAR SU PROYECTO?

Solicita tu presupuesto o consulta con  
nuestro equipo científico experto sin ningún  
compromiso

## ¡CONTÁCTANOS!

-  Email: [info-spain@macrogen.com](mailto:info-spain@macrogen.com)
-  Web: [dna.macrogen.com](http://dna.macrogen.com)
-  Web: [macrogen-es.com](http://macrogen-es.com)
-  Oficina: C/Martinez Villergas 52,  
Edificio B Planta Baja. 28087 Madrid
-  Teléfono: 911 13 83 78

# MACROGEN


HUMANIZING GENOMICS


macrogen


# SECUENCIACIÓN CAPILAR SANGER


El Gold-Standard para validar sus secuencias |  
Desde Madrid con TAT de 24-48 h.


## Ventajas diseñadas para su éxito

 Primers Universales Gratis: Acceso sin coste adicional a más de 90 primers de stock (T7, T3, M13, 27F, 1492R, ITS, etc.)

 Modalidad Premix: Máximo ahorro entregando su muestra y primer premezclados (desde solo 3,8 € por reacción).

 Purificación enzimática: Eliminación de remanentes de PCR para lecturas limpias y cromatogramas perfectos (1 €/muestra).

 Garantía de Tranquilidad: Resequenciación gratuita ante fallos en formato de tubos estándar.

 Eficiencia en Placas: Formato de 96 o 48 pocillos y modalidad multi-primer (2-6 primers) para proyectos a gran escala.

# LECTURAS CORTAS NGS

## Whole Genome (WGS/WES)

- De Novo: Genomas completos sin referencia.
- Resequencing: Detección de variantes (SNP/InDel) y CNVs.
- WES: Captura de exones de alta eficiencia (Agilent/Twist).

## Transcriptómica (RNA-Seq)

- mRNA: Expresión génica y variantes de splicing.
- Total RNA: Panorama codificante y no codificante (lncRNA).
- Small RNA: Regulación por miRNA y siRNA.

## Metagenómica

Análisis de comunidades microbianas complejas sin necesidad de cultivo.

- Shotgun: Perfil funcional completo.
- Amplicones: Taxonomía 16S/18S/ITS.

## Epigenómica

Estudio de modificaciones químicas sobre el genoma.

- WGBS: Metilación a resolución de base en todo el genoma.
- Methyl-capture: Enfoque en regiones CpG específicas.

# LECTURAS LARGAS NGS

## Genómica Estructural y de Amplicón (ADN)

- HiFi Whole Genome: Genomas perfectos de novo, detección de variantes estructurales complejas y haplotipado (Garantía: 60Gb/cell en humanos).
- Amplicones Full-Length: Secuenciación completa y sin fragmentar de genes 16S, HLA e insertos de virus adenoasociados (AAV)

## Transcriptómica (RNA-Seq)

- mRNA: Expresión génica y variantes de splicing.
- Total RNA: Panorama codificante y no codificante (lncRNA).
- Small RNA: Regulación por miRNA y siRNA.